

Individuos con características clínicas que sugieren Leucemia mieloide aguda (LMA)

El reporte hematopatológico exhaustivo incluye una evaluación morfológica y, a discreción del hematólogo, puede incluir inmunofenotipificación, análisis de cromosomas, FISH y/o PCR.

≥20% blastos mieloides en Sangre periférica y médula ósea

<20% blastos mieloides en Sangre periférica y médula ósea

Al menos uno de los siguientes está presente:  
 >> Sarcoma mieloide  
 >> AML1/ETO t(8;21)  
 >> PML/RARA t(15;17)  
 >> CFBF/MYH11 inv(16) o t(16;16)

Ausencia de los siguientes:  
 >> Sarcoma mieloide  
 >> AML1/ETO t(8;21)  
 >> PML/RARA t(15;17)  
 >> CFBF/MYH11 inv(16) o t(16;16)

Considerar síndrome mielodisplásico u otro desorden de leucocitos

Diagnóstico LMA

LMA con anomalías cromosómicas

LMA sin anomalías cromosómicas

AML1/ETO t(8;21) o CFBF/MYH11 inv(16)/t(16;16)

PML/RARA t(15;17)

+8

Cualquiera de las siguientes:  
 >> Cariotipo complejo [≥3 anomalías cromosómicas clonales que no sean t(18;21), inv(16)/t(16;16), y t(15;17)]  
 >> Deleciones -5/5q- o -7/7q-  
 >> Anomalías MLL 11q23  
 >> RPN1/EV11 inv(3)/t(3;3)  
 >> DEK/NUP214 t(6;9)  
 >> BCR/ABL t(9;22)

Panel de Pronóstico Leucemia Mieloide Aguda

NPM1 o doble mutación CEBPA en ausencia de la mutación FLT3-ITD

No NPM1, doble CEBPA o mutación FLT3-ITD

Mutaciones FLT3-ITD

Mayor riesgo

Riesgo intermedio

Bajo riesgo

Mayor riesgo

Riesgo intermedio

Bajo riesgo

Análisis de la mutación del gen c-KIT

Sin la mutación c-KIT

Con la mutación c-KIT

Mayor riesgo

Riesgo intermedio

DIAGNÓSTICO

PRONÓSTICO

Este Algoritmo está basado en las guías de la OMS y del National Comprehensive Cancer Network (NCCN) de los EE.UU.

BM, bone marrow, NPM1, nucleophosmin 1 gene; FLT3-ITD, fms-like tyrosine kinase-internal tandem duplication; and CEBPA, CCAAT/enhancer-binding protein-alpha gene.